

Bijlage 3: ComPerMed indicaties voor NGS bij hematologische tumoren

« Standard of care » DNA of RNA testing met NGS voor de analyse van kwaadaardige hematologische tumoren

De genen geanalyseerd met “standard of care” DNA of RNA testing met NGS bij maligne hematologische aandoeningen is bepaald op grond van volgende criteria en zijn:

- genetische biomerkers voor doelgerichte therapie terugbetaald in België
- en/of genetische biomerkers voor een diagnosestelling volgens internationale guidelines (WHO¹, ELN², ICC³, ...)
- en/of genetische biomerkers voor de bepaling van prognose indien relevant voor keuze van therapeutische opties bij de betrokken patiënt.

¹ WHO: Myeloïd: Khoury JD. et al. *Leukemia*. 2022 Jul;36(7):1703-1719. Lymfoïd: Alaggio et al. *Leukemia*. 2022 Jul;36(7):1720-1748. Arber et al. *Blood*. 2016 May 19;127(20):2391-405.

² ELN: Döhner et al. *Blood*. 2022 Sep 22;140(12):1345-1377. 2017 Jan 26;129(4):424-447.

³ ICC: Myeloïd: Arber et al. *Blood* 2022; 140 (11): 1200–1228. Lymfoïd: Campo et al. *Blood* (2022) 140 (11): 1229–1253.

Hieronder volgen, voor diverse aandoeningen, de minimaal te testen genen (exonen) en de testindicaties. Een NGS test met een combinatie van genen (exonen) van verschillende aandoeningen is toegelaten maar mag slechts éénmaal aangerekend worden per diagnostische investigatiefase.

- Acute myeloïde leukemie (AML)* (ICC/WHO):

Indicatie: hematologische diagnose volgens WHO criteria/ELN criteria.

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren in combinatie met cytogenetisch onderzoek en moleculair onderzoek naar fusietranscripten op beenmerg.
 - NGS test uitvoeren op beenmerg of op bloed aangetast door leukemische invasie.
- ~~Bij patiënten ouder dan 70 jaar is een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies vereist.~~

* In geval van herval binnen 1 jaar is het uitvoeren van een NGS test toegestaan na positief advies door het MOC-(multidisciplinair oncologisch consult) team. A posteriori controle op dossier is mogelijk.

Genen :

ASXL1 (exon 13 = laatste exon)	prognose
BCOR (Alle exonen)	diagnose
CEBPA (exon 1 = volledig)	diagnose/prognose
DDX41 (Alle exonen)	diagnose
DNMT3A (exon 8-23)	diagnose/prognose
EZH2 (exon 2-20 = volledig)	diagnose
FLT3 (exon 14, exon 15, exon 20-codon 835)	prognose/therapie
IDH1 (exon 4-hotspot)	prognose/therapie
IDH2 (exon 4-hotspot)	prognose/therapie

<i>KIT (exon 8, exon 10, exon 17)</i>	<i>prognose/therapie</i>
<i>NPM1 (exon 11-codon 288)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>RUNX1 (exon 2-9 = volledig)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>SF3B1 (exon 14, exon 15)</i>	<i>diagnose</i>
<i>SRSF2 (exon 1-codon 95)</i>	<i>diagnose</i>
<i>STAG2 (Alle exonen)</i>	<i>diagnose</i>
<i>TET2 (exon 3, exon 9-11)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>TP53 (exon 2-11)</i>	<i>prognose/therapie</i>
<i>U2AF1 (exon 2-codon 34, exon 6-codon 157)</i>	<i>diagnose</i>
<i>WT1 (exon 7, exon 9)</i>	<i>prognose</i>
<i>ZRSR2 (Alle exonen)</i>	<i>diagnose</i>

- Acute myeloïde leukemie (AML) (RNA seq) (ICC/WHO):

Indicatie: hematologische diagnose volgens ICC/WHO/ELN criteria.

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren in combinatie met cytogenetisch onderzoek
- NGS test uitvoeren op beenmerg of op bloed aangetast door leukemische invasie.

Onderzoek naar volgende fusies/herschikkingen:

<i>BCR::ABL1</i>	<i>diagnose/prognose/therapie</i>
<i>CBFB::MYH11</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>KAT6A::CREBBP</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>KMT2A</i> herschikking	<i>diagnose/prognose</i>
<i>MECOM</i> herschikking	<i>diagnose/prognose</i>
<i>DEK::NUP214</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>PML::RARA</i>	<i>diagnose/therapie</i>
<i>NUP98</i> herschikking	<i>diagnose</i>
<i>RUNX1::RUNX1T1</i>	<i>diagnose/prognose</i>

Zeldzame fusies/herschikkingen: zie International Consensus Classification (ICC)³

Additionele fusies/herschikkingen voor pediatrie gevallen: zie WHO pediatric tumors

- MDS/AML (ICC)

Myelodysplastisch neoplasm met verhoogde blasten 2 (MDS-IB2) (WHO): ~~Myelodysplastisch syndroom met excès aan blasten 2 (MDS-EB-2)~~

Indicatie: hematologische diagnose volgens ICC/WHO criteria.

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren in combinatie met cytogenetisch onderzoek en moleculair onderzoek naar fusietranscripten op beenmerg.
- NGS test uitvoeren op beenmerg of op bloed aangetast door leukemische invasie.

Bij patiënten ouder dan 70 jaar is een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies vereist.

Genen :

ASXL1 (exon 13 = laatste exon)	prognose
BCOR (Alle exonen)	diagnose
CEBPA (exon 1 = volledig)	diagnose/prognose
DDX41 (Alle exonen)	diagnose
DNMT3A (exon 8-23)	diagnose/prognose
EZH2 (exon 2-20 = volledig)	diagnose/prognose
FLT3 (exon 14, exon 15, exon 20-codon 835)	prognose/therapie
IDH1 (exon 4-hotspot)	prognose/therapie
IDH2 (exon 4-hotspot)	prognose/therapie
KIT (exon 8, exon 10, exon 17)	prognose/therapie
NPM1 (exon 11-codon 288)	diagnose/prognose
RUNX1 (exon 2-9 = volledig)	diagnose/prognose
SF3B1 (exon 14, exon 15)	diagnose/prognose
SRSF2 (exon 1-codon 95)	diagnose/prognose
STAG2 (Alle exonen)	diagnose
TET2 (exon 3, exon 9-11)	diagnose/prognose
TP53 (exon 2-11)	prognose/therapie
U2AF1 (exon 2-codon 34, exon 6-codon 157)	diagnose/prognose
WT1 (exon 7, exon 9)	prognose
ZRSR2 (Alle exonen)	diagnostic

- Myelodysplastisch syndroom (MDS) (ICC)

Myelodysplastisch neoplasm (MDS), exclusief MDS-IB2 (WHO): Myelodysplastisch syndroom (MDS), exclusief MDS-EB-2

Indicatie: hematologische diagnose volgens ICC/WHO criteria of een aanhoudende onverklaarde cytopenie (4 maanden) zonder secundaire oorzaken met een sterk vermoeden van MDS

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren in combinatie met cytogenetisch onderzoek op beenmerg.
- NGS test uitvoeren op beenmerg.

Bij patiënten ouder dan 70 jaar is een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies vereist.

Genen:

ASXL1 (exon 13 = laatste exon)	prognose
BCOR (Alle exonen)	diagnose
DNMT3A (exon 8-23)	diagnose/prognose
EZH2 (exon 2-20 = volledig)	diagnose/prognose
RUNX1 (exon 2-9 = volledig)	diagnose/prognose
SF3B1 (exon 14, exon 15)	diagnose/prognose

<i>SRSF2 (exon 1-codon 95)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>STAG2 (Alle exonen)</i>	<i>diagnose</i>
<i>TET2 (exon 3, exon 9-11)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>TP53 (exon 2-11)</i>	<i>prognose/therapie</i>
<i>U2AF1 (exon 2-codon 34, exon 6-codon 157)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>ZRSR2 (Alle exonen)</i>	<i>diagnose</i>

- Myeloproliferatief neoplasm – (prefibrotische) primaire myelofibroze (PMF) (ICC/WHO):

Indicatie: hematologische diagnose volgens ICC/WHO criteria.

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren in combinatie met cytogenetisch onderzoek op beenmerg (indien dry tap: op bloed).
- NGS test uitvoeren op beenmerg (indien dry tap: op bloed).
- Bij patiënten ouder dan 70 jaar is een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies vereist.

Genen:

<i>ASXL1 (exon 13 = laatste exon)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>CALR (exon 9)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>EZH2 (exon 2-20 = volledig)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>IDH1 (exon 4-hotspot)</i>	<i>diagnose/prognose/therapie</i>
<i>IDH2 (exon 4-hotspot)</i>	<i>diagnose/prognose/therapie</i>
<i>JAK2 (exon 12-F537_I546, exon 14-codon 617)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>MPL (exon 10)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>SF3B1 (exon 14, exon 15)</i>	<i>diagnose</i>
<i>SRSF2 (exon 1-codon 95)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>TET2 (exon 3, exon 9-11)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>TP53 (exon 2-11)</i>	<i>prognose</i>
<i>U2AF1 (exon 2-codon 34, exon 6-codon 157)</i>	<i>prognose</i>

- Myelodysplastisch/myeloproliferatief neoplasms (MDS/MPN) (ICC/WHO):

Indicatie: hematologische diagnose volgens ICC/WHO criteria.

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren in combinatie met cytogenetisch onderzoek op beenmerg.
- NGS test uitvoeren op beenmerg.
- Bij patiënten ouder dan 70 jaar is een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies vereist.

Genen:

ASXL1 (exon 13 = laatste exon)	diagnose/prognose
CALR (exon 9)	diagnose/prognose
CSF3R	diagnose/therapie
(exon 14-codons 615/618, exon 17-codons 768/776/779/798/810/818)	
JAK2 (exon 14-codon 617)	diagnose/prognose
MPL (exon 10)	diagnose/prognose
NRAS (exon 2 (codons 12, 13), exon 3 (codon 61))	prognose
RUNX1 (exon 2-9 = volledig)	prognose
SETBP1 (exon 4-hotspot)	diagnose/prognose
SF3B1 (exon 14, exon 15)	diagnose/prognose
SRSF2 (exon 1-codon 95)	diagnose/prognose
TET2 (exon 3, exon 9-11)	diagnose/prognose

Myelodysplastisch/myeloproliferatief neoplasms, exclusief CMML, aCML en JMML:

Indicatie: hematologische diagnose volgens WHO criteria.

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren in combinatie met cytogenetisch onderzoek op beenmerg; negatieve status moet zijn aangetoond voor:
 - BCR-ABL1 fusiegen (Philadelphia chromosoom);
 - bij eosinofilie voor PDGFRA-, PDGFRB- en FGFR1-fusiegenen en PCM1-JAK2.
- NGS test uitvoeren op beenmerg.
- Bij patiënten ouder dan 70 jaar is een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies vereist.

Genen:

ASXL1 (exon 13 = laatste exon)	diagnose/prognose
CALR (exon 9)	diagnose/prognose
CSF3R	diagnose/therapie
(exon 14 codons 615/618, exon 17 codons 768/776/779/798/810/818)	
JAK2 (exon 14-codon 617)	diagnose/prognose
MPL (exon 10)	diagnose/prognose
SETBP1 (exon 4 hotspot)	diagnose/prognose
SF3B1 (exon 14, exon 15)	diagnose/prognose
SRSF2 (exon 1-codon 95)	diagnose/prognose
TET2 (exon 3, exon 9-11)	diagnose/prognose

Chronisch myelomonocytaire leukemie (CMML):

Indicatie: hematologische diagnose volgens WHO criteria.

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren in combinatie met cytogenetisch onderzoek op beenmerg; negatieve status moet zijn aangetoond voor: BCR-ABL1-fusiegen (Philadelphia chromosoom); bij eosinofilie voor: PDGFRA-, PDGFRB- en FGFR1-fusiegenen en PCM1-JAK2.

— NGS test uitvoeren op beenmerg;

— Bij patiënten ouder dan 70 jaar is een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies vereist.

Genen:

<i>ASXL1 (exon 13 = laatste exon)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>CALR (exon 9)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>CSF3R</i>	<i>diagnose/therapie</i>
<i>(exon 14 codons 615/618, exon 17-codons 768/776/779/798/810/818)</i>	
<i>JAK2 (exon 14 codon 617)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>MPL (exon 10)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>NRAS (exon 2 (codons 12, 13), exon 3 (codon 61))</i>	<i>prognose</i>
<i>RUNX1 (exon 2-9 = volledig)</i>	<i>prognose</i>
<i>SETBP1 (exon 4 hotspot)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>SF3B1 (exon 14, exon 15)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>SRSF2 (exon 1 codon 95)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>TET2 (exon 3, exon 9-11)</i>	<i>diagnose/prognose</i>

Atypische chronische myeloïde leukemie (aCML):

Indicatie: hematologische diagnose volgens WHO criteria.

Randvoorwaarden:

— NGS test uitvoeren in combinatie met cytogenetisch onderzoek op beenmerg; negatieve status moet zijn aangetoond voor:

- *BCR-ABL1 fusiegen (Philadelphia chromosoom);*
- bij eosinofilie voor *PDGFRA-, PDGFRB- en FGFR1 fusiegenen en PCM1-JAK2.*

— NGS test uitvoeren op beenmerg;

— Bij patiënten ouder dan 70 jaar is een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies vereist.

Genen:

<i>ASXL1 (exon 13 = laatste exon)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>CALR (exon 9)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>CSF3R</i>	<i>diagnose/therapie</i>
<i>(exon 14 codons 615/618, exon 17-codons 768/776/779/798/810/818)</i>	
<i>JAK2 (exon 14 codon 617)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>MPL (exon 10)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>SETBP1 (exon 4 hotspot)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>SF3B1 (exon 14, exon 15)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>SRSF2 (exon 1 codon 95)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>TET2 (exon 3, exon 9-11)</i>	<i>diagnose/prognose</i>

- Myeloproliferatief neoplasm (MPN) - Chronische neutrofiële leukemie (CNL) (ICC/WHO):

Indicatie: hematologische diagnose volgens ICC/WHO criteria.

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren in combinatie met cytogenetisch onderzoek op beenmerg; negatieve status moet zijn aangetoond voor:
 - o ~~BCR-ABL1-fusiegen (Philadelphia-chromosoom);~~
 - o ~~bij eosinofilie voor PDGFRA-, PDGFRB- en FGFR1-fusiegenen en PCM1-JAK2.~~
- NGS test uitvoeren op beenmerg.
- Bij patiënten ouder dan 70 jaar is een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies vereist.

Genen:

CSF3R *diagnose/therapie*
(*exon 14-codons 615/618, exon 17-codons 768/776/779/798/810/818*)
+ *genen MDS/MPN*

- Myeloproliferatief neoplasm – essentiële trombocytose (ET) (ICC/WHO):

Indicatie: hematologische diagnose volgens ICC/WHO criteria.

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren op beenmerg.
- Een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies is vereist.

Genen:

<i>ASXL1 (exon 13 = laatste exon)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>CALR (exon 9)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>EZH2 (exon 2-20 = volledig)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>IDH1 (exon 4-hotspot)</i>	<i>diagnose/prognose/therapie</i>
<i>IDH2 (exon 4-hotspot)</i>	<i>diagnose/prognose/therapie</i>
<i>JAK2 (exon 12-F537_I546, exon 14-codon 617)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>MPL (exon 10)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>SF3B1 (exon 14, exon 15)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>SRSF2 (exon 1-codon 95)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>TET2 (exon 3, exon 9-11)</i>	<i>diagnose/prognose</i>
<i>TP53 (exon 2-11)</i>	<i>prognose</i>
<i>U2AF1 (exon 2-codon 34, exon 6-codon 157)</i>	<i>prognose</i>

- Systemische mastocytose (SM) (ICC/WHO):

Indicatie: geavanceerde SM (*KIT D816V* positief) of sterk vermoeden SM (*KIT D816V* negatief) gebaseerd op ICC/WHO criteria.

Randvoorwaarden:

- Bij eosinofilie, NGS test uitvoeren in combinatie met cytogenetisch onderzoek op beenmerg; negatieve status moet zijn aangetoond voor: *PDGFRA*, *PDGFRB* en *FGFR1-fusiegenen* en *PCM1-JAK2*.
- NGS test uitvoeren op beenmerg.
- Een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies is vereist.

Genen:

<i>ASXL1</i> (exon 13 = laatste exon)	prognose
<i>CBL</i> (exon 8, exon 9)	prognose
<i>EZH2</i> (exon 2-20 = volledig)	prognose
<i>KIT</i> (exon 2, 8, 9, 10, 11, 13, 14, 17)	diagnose
<i>KRAS</i> (exon 2 (codons 12, 13), exon 3 (codon 61))	prognose
<i>NRAS</i> (exon 2 (codons 12, 13), exon 3 (codon 61))	prognose
<i>RUNX1</i> (exon 2-9 = volledig)	prognose
<i>SRSF2</i> (exon 1-codon 95)	prognose
<i>TET2</i> (exon 3, exon 9-11)	prognose

+ genen die beschreven zijn in de geassocieerde neoplasie in geval van SM geassocieerd met een hematologische neoplasie.

- Chronische lymfatische leukemie (CLL) (ICC/WHO):

Indicatie: diagnose volgens iwCLL guidelines.

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren bij therapienoodzaak in combinatie met (moleculair) cytogenetisch onderzoek.
- NGS test uitvoeren op bloed, lymfeklier of beenmerg aangetast door leukemische invasie.
- Bij patiënten ouder dan 70 jaar is een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies vereist.

Genen:

<i>BTK</i> (exon 15)*	therapie
<i>PLCG2</i> (exon 19, 20, 24)*	therapie
<i>TP53</i> (exon 2-11)	prognose/therapie

* in geval van progressie na behandeling met een BTK inhibitor

- Juvenile myelomonocytaire leukemie (JMML) (ICC/WHO):

Indicatie: hematologische diagnose volgens ICC/WHO criteria.

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren op beenmerg.
- NGS test uitvoeren in parallel met cytogenetisch onderzoek op beenmerg; negatieve status moet zijn aangetoond voor:
 - o *BCR-ABL1-fusiegen* (Philadelphia chromosoom);

- Een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies is vereist.

Genen:

<i>CBL4</i> (exon 8, exon 9)	<i>diagnose</i>
<i>KRAS</i> (exon 2 (codons 12, 13), exon 3 (codon 61))	<i>diagnose/prognose</i>
<i>NF1</i> (exon 1-58 = volledig)	<i>diagnose/prognose</i>
<i>NRAS</i> (exon 2 (codons 12, 13), exon 3 (codon 61))	<i>diagnose/prognose</i>
<i>PTPN11</i> (exon 3, exon 13)	<i>diagnose/prognose</i>

- T-lymfoblastische leukemie/lymfoom (T-ALL/LBL) (ICC/WHO):

Indicatie: diagnose van T-ALL/LBL (morfologie en flow cytometrie).

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren op beenmerg of op bloed aangetast door leukemische invasie of biopt in geval van lymfoblastisch lymfoom (gelocaliseerd).
- NGS test uitvoeren in parallel met cytogenetisch onderzoek
- Een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies is vereist.

Genen:

<i>FBXW7</i> (exon 9-10, exon 12)	<i>prognose</i>
<i>NOTCH1</i> (exon 26-27, exon 34)	<i>prognose</i>

- Lymfoblastische leukemie/lymfoom (ALL/LBL) (RNA seq) (ICC/WHO):

Indicatie: diagnose van ALL/LBL (morfologie en flow cytometrie).

Randvoorwaarden:

- NGS test uitvoeren op beenmerg of op bloed aangetast door leukemische invasie of biopt in geval van lymfoblastisch lymfoom (gelocaliseerd).
- NGS test uitvoeren in combinatie met cytogenetisch onderzoek
- Een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies is vereist.

Onderzoek naar fusies waarbij volgende genen betrokken zijn:

<i>ABL1, ABL2, BCR, CSF1R, ETV6, KMT2A, PDGFRB, TCF3, RUNX1</i>	<i>diagnose/prognose/therapie</i>
---	-----------------------------------

- Myeloïde/lymfoïde neoplasm met eosinophilie en tyrosine kinase genfusies (M/L-eos) (RNA seq) (ICC/WHO): Myeloïde/lymfoïde neoplasm met eosinophilie en genherschikking (M/L-eos) (RNA seq):

Indicatie: sterk vermoeden volgens ICC/WHO criteria (hypereosinofilie EN vermoeden van AML of MPN of MPN/MDS of ALL/LBL)

Randvoorwaarden:

- RNA sequencing uitvoeren in combinatie met cytogenetisch onderzoek
- Bij patiënten ouder dan 70 jaar is een multidisciplinaire oncologisch consult met een positief advies vereist

Onderzoek naar fusies waarbij volgende genen betrokken zijn:

ETV6::ABL1, FGFR1, FLT3, JAK2, PDGFRA, PDGFRB

diagnose/prognose/therapie

- Mantelcellymfoom (ICC/WHO):

Indicatie: diagnose van mantelcellymfoom (op basis van morfologie en immuunfenotypering)

Randvoorwaarden:

- Bij patiënten ouder dan 70 jaar is een multidisciplinaire oncologisch consult met een positief advies vereist

Genen:

TP53 (exon 2-11) prognose

- T-LGL leukemia (ICC/WHO):

Indicatie: vermoeden van 'T-LGL leukemia' (op basis van morfologie en immuunfenotypering)

Randvoorwaarden:

- In geval er geen éénduidige diagnose is op basis van morfologie en immuunfenotypering

Genen:

STAT3 (exon 21) diagnose

STAT5B (exon 16-17) diagnose

- Lymfoplasmacytair lymfoom/Waldenström Macroglobulinemie (LPL/WM) (ICC/WHO):

Indicatie: vermoeden van LPL/WM

Genen:

MYD88 (codon 265) diagnose/prognose

CXCR4 (exon 2) prognose/therapie

- Folliculair T-helper cel lymfoom (TFH lymfoom) (ICC/WHO):

Indicatie: vermoeden van TFH lymfoom (op basis van morfologie en immuunfenotypering)

Genen:

DNMT3A (exon 8-23) diagnose

IDH2 (exon 4-hotspot) diagnose

RHOA (exon 2) diagnose

TET2 (exon 3, exon 9-11) diagnose

Genes	Transcript ID (NM)
ASXL1	NM_015338.5
BCOR	NM_001123385.2
BTK	NM_000061.2
CALR	NM_004343.3
CBL	NM_005188.3
CEBPA	NM_004364.3
CSF3R	NM_156039.3
CXCR4	NM_003467.2
DDX41	NM_016222.4
DNMT3A	NM_175629.2 NM_022552.5
EZH2	NM_004456.4
	NM_033632.3
FBXW7	NM_001349798.2
FLT3	NM_004119.2
IDH1	NM_005896.3
IDH2	NM_002168.2
JAK2	NM_004972.3
KIT	NM_000222.2
KRAS	NM_004985.4
MPL	NM_005373.2
MYD88	NM_002468.5
NF1	NM_001042492.2
NOTCH1	NM_017617.5
NPM1	NM_002520.6
NRAS	NM_002524.4
PLCG2	NM_002661.5
PTPN11	NM_002834.4
RHOA	NM_001664.4
RUNX1	NM_001754.4
SETBP1	NM_015559.3
SF3B1	NM_012433.3
	NM_003016.4
SRSF2	NM_001195427.2
STAG2	NM_001042749.2
STAT3	NM_139276.2
STAT5B	NM_012448.3
TET2	NM_001127208.2
TP53	NM_000546.5
U2AF1	NM_006758.2
WT1	NM_024426.5
ZRSR2	NM_005089.3